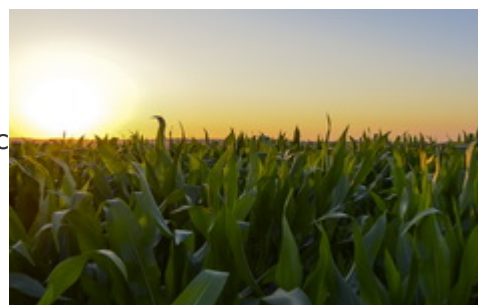


Tin tức

110 HỌC GIẢ TỪNG ĐOẠT GIẢI NOBEL KÍ THƯ KÊU GỌI TỔ CHỨC HÒA BÌNH XANH (GREENPEACE) NGỪNG PHẢN ĐỐI CÂY TRỒNG BIẾN ĐỔI GEN

Hơn 100 học giả đoạt giải Nobel đã ủng hộ GMOs và việc đổi mới công nghệ sinh học trong nông nghiệp bằng cách ký một lá thư kêu gọi Tổ chức Hòa bình xanh chấm dứt hành động phản đối GMO, đặc biệt với Gạo vàng, và để các chính phủ trên toàn thế giới từ chối chiến dịch của Tổ chức Hòa bình xanh chống lại Gạo vàng và các loại cây trồng, thực phẩm mới được tạo ra bằng công nghệ sinh học nói chung.



Gửi các nhà lãnh đạo của Tổ chức Hòa bình xanh, Liên Hiệp Quốc, và các chính phủ trên toàn thế giới, bức thư đã dẫn rằng các cơ quan khoa học và pháp lý trên toàn thế giới đã thống nhất và luôn khẳng định rằng các loại thực phẩm và cây trồng được cải tiến bằng phương pháp công nghệ sinh học là an toàn tương đương, thậm chí an toàn hơn những thực phẩm và cây trồng được phát triển bằng những phương pháp truyền thống khác. Chưa có một trường hợp nào cho thấy các tác động tiêu cực lên sức khỏe con người hay động vật khi ăn các loại thực phẩm và cây trồng biến đổi gen.

Lá thư đã kêu gọi mạnh mẽ chính phủ các quốc gia trên toàn thế giới thực hiện mọi giải pháp có thể trong quyền hạn của mình để phản đối các hành động của Tổ chức Hòa bình xanh; và tạo điều kiện để nông dân có thể tiếp cận nhanh nhất với các công cụ sinh học hiện đại, đặc biệt là các giống cây trồng biến đổi gen. Các học giả đã kết thúc bức thư bằng câu hỏi: " Sẽ có bao nhiêu người nghèo trên thế giới phải chết trước khi chúng ta có thể cân nhắc đây có phải là một tội ác chống lại loài người"?

Để đọc toàn văn lá thư hoặc ký tên ủng hộ, xin truy cập tại [Support Precision Agriculture website](#).

GEAC ĐỀ XUẤT CÁC TRƯỜNG ĐẠI HỌC NÔNG NGHIỆP THỰC HIỆN CÁC THỬ NGHIỆM ĐỒNG RUỘNG CÂY TRỒNG BIẾN ĐỔI GEN

Ủy ban Thẩm định Kỹ thuật Di truyền của Ấn Độ (GEAC) đã đề xuất việc khai thác các trang trại của các trường đại học được lựa chọn để thử nghiệm đồng ruộng cây trồng biến đổi gen. GEAC đã lựa chọn được 40 trường đại học nông nghiệp có các cánh đồng lớn, biệt lập ở các khu vực khác nhau của đất nước có các điều kiện khí hậu nông nghiệp đa dạng. Đề xuất này cũng đã được đưa ra bởi nhà khoa học M.S. Swaminathan, ông cho rằng sự sắp xếp như vậy sẽ tạo ra một phương pháp thống nhất để đánh giá các cây trồng biến đổi gen.



"Ý tưởng là để thuyết phục các bang trong việc trồng thử nghiệm các loại cây trồng biến đổi gen trong các môi trường biệt lập, lập luận rằng những rủi ro và lợi ích của cây trồng biến đổi gen không thể biết được nếu nó không được trồng thử nghiệm ở vùng khí hậu nông nghiệp khác nhau", theo lời một quan chức của Bộ Môi trường. "Quyết định cuối cùng về vấn đề này sẽ được đưa ra sau khi tham khảo ý kiến các bang và Hội đồng Nghiên cứu Nông nghiệp Ấn Độ (ICAR). Chính ICAR cũng có thể thử nghiệm tại các trang trại trong các Viện thành viên của mình," ông nói thêm.

Đọc thêm chi tiết tại [Agropages](#) và [Times of India](#).

Nghiên cứu

PHÁT TRIỂN GẠO CÓ HÀM LƯỢNG LYSINE CAO THÔNG QUA BIỂU HIỆN CỦA MỘT GEN CHUYỂN MÃ HÓA CHO PROTEIN GIÀU LYSINE

Lysine (Lys) là một acid amin thiết yếu trong gạo. Đã có nhiều nghiên cứu nhằm cải thiện hàm lượng Lys trong gạo, nhưng cho đến nay vẫn chưa có sản phẩm nào được tạo ra. Do vậy, các nhà nghiên cứu từ Đại học Chiết Giang và Đại học Trung Quốc (Hồng Kông) dẫn đầu bởi Xin Liu và Cuicui Zhang đã biểu hiện được gen *PROTEIN GIÀU LYSINE (LRP)* từ *Psophocarpus tetragonolobus* (L.) ở dòng Peiai64S (PA64S), một dòng lúa thuần bất dục được miễn cảm với nhiệt độ -quang chu kỳ (PTSMS).

Hàm lượng Lys trong hạt gạo chuyển gen đã tăng hơn 30 phần trăm. Hàm lượng các axit amin khác cũng tăng so với các dòng không chuyển gen. Phân tích các axit amin trong 3 thế hệ cây chuyển gen cho thấy hàm lượng Lys trong hạt đã tăng đáng kể. Hơn nữa, hàm lượng Lys trong các dòng lai của những cây chuyển gen này cũng tăng rõ rệt.

Tuy nhiên, cây lúa chuyển gen cũng cho thấy kiểu hình hạt không như ý. Các nhà nghiên cứu sau đó đã kiểm tra các biểu hiện đặc hiệu nội nhũ của gen ngoại lai LRP. Biểu hiện đặc hiệu ở nội nhũ của gen chuyển đã làm tăng đáng kể hàm lượng Lys trong hạt của các cây chuyển gen, và sự gia tăng hàm lượng Lys có tính ổn định di truyền trong ba thế hệ.

Để biết thêm chi tiết về nghiên cứu, đọc toàn văn bài báo tại [BMC Plant Biology](#).

CÁC NHÀ KHOA HỌC ĐÃ TÌM RA CÁC GEN SINH TỔNG HỢP XANTHOPHYLL Ở CÂY CÓ MÚI

Carotene hydroxylase liên quan đến quá trình sinh tổng hợp xanthophyll ở thực vật. Tuy nhiên, vai trò của chúng trong việc điều hòa hàm lượng và thành phần xanthophyll chưa được giải thích. Các nhà nghiên cứu trường Đại học Shizuoka đã nghiên cứu vai trò của các gen mã hóa cho carotene hydroxylase *CitHYb*, *CitCYP97A*, *CitCYP97B*, và *CitCYP97C* trong sinh tổng hợp xanthophyll ở cây có múi.

Biểu hiện của gen *CitHYb* tăng lên trong vỏ quả và nước quả suốt quá trình chín ở cây có múi, tương ứng với sự tích lũy xanthophyll. Trong quá trình chín, gen *CitCYP97A* và *CitCYP97C* cũng biểu hiện tăng, dẫn đến sự gia tăng lutein trong nước quả. Trong khi đó, mức độ biểu hiện của gen *CitCYP97B* trong nước quả là thấp hơn nhiều so với ba gen khác trong quá trình chín của quả.

CitHYb là một gen quan trọng trong tổng hợp xanthophyll ở cây có múi, phân tích sâu hơn cho thấy *CitCYP97C* đóng vai trò như một hydroxylase trong quá trình sản sinh lutein. Những kết quả này sẽ tăng thêm hiểu biết về sinh tổng hợp xanthophyll ở quả cây có múi, làm cơ sở hình thành các chiến lược cải thiện chúng.

Để biết thêm thông tin chi tiết về nghiên cứu, tham khảo toàn văn bài báo tại [BMC Plant Biology](#).

Bản tin Cây trồng Công nghệ sinh học ngày 13 tháng 7 năm 2016

Tin tức

CÁC NHÀ KHOA HỌC VÀ NHỮNG NGƯỜI LÀM TRUYỀN THÔNG VỀ CÔNG NGHỆ SINH HỌC ĐÃ THẢO LUẬN CHIẾN LƯỢC TĂNG CƯỜNG CHIA SẺ THÔNG TIN

Các thành viên của Mạng lưới thông tin Công nghệ sinh học ISAAA và các đối tác đến từ 12 quốc gia đã tham gia Hội nghị mạng lưới hàng năm tại Malaysia từ ngày 10-14 tháng 7 năm 2016. Mỗi năm, ISAAA tập hợp các thành viên mạng lưới của mình để trình bày các cách truyền thông khoa học tốt nhất và thảo luận về các chiến lược mới để tăng cường hiệu quả của việc truyền tải tới công chúng các thông tin xác thực về công nghệ sinh học.

Tiến sĩ Mahaletchumy Arujanan, Giám đốc điều hành của Trung tâm Thông tin Công nghệ sinh học Malaysia (MABIC) và chủ nhà của Hội nghị năm 2016, đã chào đón những người tới dự. Chủ tịch ISAAA Tiến sĩ Paul Teng đã trình bày tại hội thảo về cơ hội vận động tài trợ trong khi Tiến sĩ Rhodora Aldemita, Cán bộ Chương trình ISAAA, nói về những thành tựu của Trung tâm Kiến thức toàn cầu về Cây trồng Công nghệ sinh học (KC) năm 2015. Những

thành viên tham gia đến từ Bangladesh, Ấn Độ, Indonesia, Iran , Kenya, Malaysia, Pakistan, Philippines, Thái Lan, và Uganda, trình bày những thành công quan trọng của họ trong năm 2015. Các công cụ truyền thông mới như phương tiện truyền thông xã hội, chia sẻ hình ảnh, và quản lý cơ sở dữ liệu đã được thảo luận bởi các nhân viên KC.

ISAAA cũng đã ký một bản ghi nhớ với Trường Đại học Monash để tiếp tục hợp tác trong việc phổ biến thông tin công nghệ sinh học thông qua MABIC.



Để có thêm thông tin về Mạng lưới ISAAA-BIC, liên hệ theo địa chỉ knowledge.center@isaaa.org.

MỘT NHÓM CÁC NHÀ KHOA HỌC ĐÃ NGHIÊN CỨU HỆ SINH THÁI CỦA CÂY TRỒNG BIẾN ĐỔI GEN MỚI

Một nhóm các nhà nghiên cứu dẫn đầu bởi nhà thực vật học Carol Auer, trường Đại học Connecticut (UConn) đang nghiên cứu sự tương tác giữa Cải dầu (*Camelina sativa*), một cây trồng biến đổi gen mới, và môi trường. Auer và cộng sự đã thu thập thông tin về cải dầu, một cây cho dầu nhưng chưa bao giờ được trồng thương mại ở Connecticut. Cải dầu đã là đối tượng cho nghiên cứu cải biến di truyền để tạo ra các sản phẩm như nhiên liệu sinh học, thực phẩm bổ sung, nhựa sinh học, và có thể trở nên phổ biến với nông dân tại Hoa Kỳ.



Mục tiêu chính của nghiên cứu là tìm hiểu sự phát tán gen, sự di chuyển của các gen giữa từng cá thể trong cùng một loài hoặc giữa các loài có quan hệ mật thiết. Sự phát tán gen giữa các cây phụ thuộc vào sự di chuyển của hạt phấn

nhờ gió hoặc côn trùng, và các cánh đồng ở UConn đã chỉ ra rõ ràng rằng cải dầu thu hút côn trùng thụ phấn như ong mật, ong bản địa, và ruồi.

Trong vài năm tới, nhóm nghiên cứu sẽ chia sẻ thông tin mà họ đã thu thập được về sự phát tán gen cải dầu và vấn đề cỏ dại cho nông dân và các bên liên quan khác.

Tham khảo thêm các thông tin liên quan tại [UConn Today](#).

CÁC NHÀ NGHIÊN CỨU ĐẠI HỌC HOKKAIDO PHÁT TRIỂN PHƯƠNG PHÁP DỰA TRÊN CRISPR/CAS9 ĐỂ KÍCH HOẠT GEN

Các nhà khoa học gần đây đã phát triển các công cụ chỉnh sửa gen, CRISPR / Cas9, mà cho phép họ thêm, loại bỏ hoặc thay thế các đoạn đặc trưng của DNA. Tuy nhiên, các nhà khoa học chưa sử dụng nó để kích hoạt gen. Một nhóm nghiên cứu, đứng đầu bởi Toru Kondo từ Đại học Hokkaido đã phát triển một kỹ thuật mới cho phép họ có thể kích hoạt các gen.

Các gen khởi động (promoter) là các gen chìa khóa trong việc kích hoạt hoặc bất hoạt gen. Một gen bị bất hoạt khi gen khởi động của nó bị methyl hóa. Các nhà khoa học đã kết hợp cơ chế sửa chữa DNA (MMEJ) với kỹ thuật CRISPR / Cas9. Họ đã loại bỏ các vùng khởi động "tắt" sử dụng CRISPR / Cas9 và sau đó chèn một vùng khởi động "bật" không bị methyl hóa bằng MMEJ.

Họ đã thử nghiệm các công cụ này trên gen *OLIG2* của tế bào thần kinh. Sau khi kích hoạt gen *OLIG2* "bật" ở các tế bào gốc của người, các tế bào đã biệt hóa thành tế bào thần kinh với hiệu quả cao. Hệ thống này cũng không gây ra bất kỳ đột biến không mong muốn nào ở các gen không phải gen mục tiêu.

Để có thêm thông tin về nghiên cứu, tham khảo bài báo trên [Angewandte Chemie](#).

Bản tin Cây trồng Công nghệ sinh học ngày 20 tháng 7 năm 2016

FAO NỖ LỰC ĐỂ KẾT NỐI KHOẢNG CÁCH GIỮA NÔNG NGHIỆP VÀ LÂM NGHIỆP NHẪM TĂNG CƯỜNG AN NINH LƯƠNG THỰC

Nông nghiệp được biết đến là ngành sản xuất có tác động nhất đến nạn phá rừng trên toàn cầu, nhưng có thể đạt được những tương tác tích cực giữa nông nghiệp và lâm nghiệp và cần thiết để xây dựng hệ thống nông nghiệp bền vững, tăng cường an ninh lương thực. Đây là điểm chính của ấn phẩm có tựa đề *Thực trạng Rừng trên thế giới (SOFO)*, phát hành bởi Tổ chức Nông lương thế giới (FAO). Báo cáo này được đưa ra trong phiên họp thứ 23 của Hội đồng FAO về Lâm nghiệp (COFO).

"Chương trình nghị sự về Phát triển bền vững đến năm 2030, cũng như Hiệp định Paris về biến đổi khí hậu, nhận ra rằng chúng ta không thể chỉ quan tâm đến an ninh lương thực và quản lý tài nguyên thiên nhiên một cách riêng biệt," José Graziano da Silva, Tổng giám đốc FAO, trong phát biểu khai mạc tại COFO Session đã trình bày. "Cả hai thỏa thuận kêu gọi một cách tiếp cận thống nhất và tích hợp để phát triển bền vững trên tất cả các lĩnh vực nông nghiệp và hệ thống thực phẩm. Rừng và lâm nghiệp có vai trò quan trọng trong vấn đề này ... Thông điệp chính từ SOFO là rõ ràng: không cần thiết phải chặt phá rừng để sản xuất thêm lương thực, "ông nói thêm.

Theo SOFO, bảy nước (Chile, Costa Rica, Gambia, Georgia, Ghana, Tunisia và Việt Nam) đã chứng minh rằng việc cải thiện an ninh lương thực có thể đạt được trong khi vẫn duy trì độ che phủ của rừng. Sáu trên bảy nước đã đạt được sự thay đổi tích cực trong giai đoạn 1990-2015 trong hai chỉ số an ninh lương thực: tỷ lệ suy dinh dưỡng và số người thiếu ăn – đồng thời tăng diện tích rừng. Gambia, quốc gia duy nhất có thu nhập thấp trong số bảy nước, đã thành công trong việc đạt được mục tiêu đầu tiên là giảm một nửa tỷ lệ người đói trong giai đoạn đó.

Tham khảo thêm thông tin về SOFO tại [FAO](#).

CÁC NHÀ KHOA HỌC CHIA SẺ NHỮNG THÀNH TỰU TRONG NGHIÊN CỨU GENOME CỎ LINH LẮNG

Một nhóm các nhà nghiên cứu từ Quỹ Noble, Đại học Minnesota, và Trung tâm Quốc gia về Tài nguyên Genome đã báo cáo những phát triển mới trong giải trình tự bộ gen của cỏ linh lăng tại Hội nghị Cải thiện Cỏ linh lăng Bắc Mỹ ngày 13 tháng 7 ở Madison, Wisconsin.

Tiến sĩ Maria Monteros, chuyên gia về nhân giống cây họ đậu của quỹ Noble nói rằng bộ gen cỏ linh lăng là một trong những bộ gen thực vật phức tạp nhất để giải trình tự. Nhóm nghiên cứu báo cáo rằng: như các cây họ đậu khác, cỏ linh lăng có thể tự tổng hợp nitơ thông qua mối quan hệ cộng sinh với rhizobia. Đặc tính quan trọng này giúp cây không cần bón thêm nitơ. Những hiểu biết về trình tự hệ gen của cỏ linh lăng sẽ là cơ sở cho hướng nghiên cứu tạo ra các cây trồng có thể tồn tại trong môi trường bất thuận như hạn hán và có động vật ăn cỏ. Nó cũng có thể cho năng suất sinh khối cao hơn khi đóng kiện như cỏ khô, tăng vụ, và thích ứng tốt hơn với các loại đất và mức độ dinh dưỡng khác nhau.

Tiến sĩ Joann Mudge, nghiên cứu viên cao cấp của Trung tâm Quốc gia về Tài nguyên Genome cho biết, "Chúng tôi đã đạt được tiến bộ đáng kể trong dự án khi các nhà genome học đang đặt các mảnh ghép cuối cùng vào đúng vị trí. Hiện tại, các nhà nghiên cứu đã có thể sử dụng thông tin cho mục đích thực tế để hỗ trợ các quyết định trong chọn giống cây trồng. "

Để có thêm thông tin, đọc tin tức được đăng tải trên [Noble Foundation website](#).

CÁC NHÀ KHOA HỌC VỀ CỎ ĐẠI CHO RẰNG HIỆN TƯỢNG KHÁNG THUỐC TRỪ CỎ ĐÃ XẢY RA TRƯỚC KHI CÓ CÂY TRỒNG BIẾN ĐỔI GEN

Hiện tượng kháng thuốc trừ cỏ từng được cho là do việc sử dụng thuốc diệt cỏ glyphosate trong cây trồng biến đổi gen. Tuy nhiên, Hiệp hội khoa học Cỏ dại Hoa Kỳ (WSSA) báo cáo rằng hiện tượng kháng thuốc trừ cỏ có trước cây trồng biến đổi gen 40 năm. Theo một thông cáo báo chí WSSA, năm 2016 mới chỉ đánh dấu 20 năm của cây trồng kháng glyphosate, thì năm 2017 sẽ đánh dấu 60 năm ngày báo cáo đầu tiên về cỏ dại kháng thuốc diệt cỏ.

Trường hợp đầu tiên kháng thuốc trừ cỏ được biết đến đã được báo cáo vào năm 1957 khi một loài hoa dại mọc khắp nơi ở Hawaii đã được tìm thấy là có khả năng kháng thuốc diệt cỏ dạng auxin tổng hợp. Cùng năm đó, một giống cà rốt dại ở Ontario, Canada cũng cho thấy khả năng kháng một số thuốc trừ cỏ dạng auxin tổng hợp tương tự. Kể từ đó, 250 loài cỏ dại đã tiến hóa khả năng kháng với 160 loại thuốc diệt cỏ khác nhau mà 23 trong số 26 cơ chế hoạt động của thuốc diệt cỏ đã được biết đến, các loài cỏ dại này đã được tìm thấy ở 86 loại cây trồng trên 66 quốc gia.

Nghiên cứu cho thấy cỏ dại có khả năng kháng thuốc chỉ khi phương pháp quản lý cỏ dại đơn lẻ được sử dụng lặp đi lặp lại để loại bỏ các tác nhân hóa học và kiểm soát quá trình canh tác – chiến lược quản lý cỏ dại theo hình thức kết hợp, đa dạng cần được đặt lên hàng đầu. Nhiều nông dân đã thành công trong việc chống lại hiện tượng kháng thuốc bằng cách áp dụng kiểm soát cỏ dại trên phạm vi rộng lớn hơn.



By 石川 Shihchuan from 台北市 (Taipei City), 台灣 (Taiwan) (2010-07-18 018 01) [CC BY-SA 2.0 (<http://creativecommons.org/licenses/by-sa/2.0>)], via Wikimedia Commons

Để có thêm thông tin, đọc tin tức đăng tải trên [WSSA website](#).

Tin tức

ĐÁNH GIÁ TÁC ĐỘNG VỀ KINH TẾ VÀ MÔI TRƯỜNG CỦA LỆNH CẤM GMO TRÊN TOÀN CẦU

Các nhà khoa học thuộc Đại học Purdue đã nghiên cứu tác động phát thải khí nhà kính và kinh tế toàn cầu của cây trồng biến đổi gen bằng cách mô hình hóa hai kịch bản đối chứng và đánh giá chúng riêng lẻ và kết hợp. Kịch bản đầu tiên đã trình bày tác động của lệnh cấm GMO toàn cầu, trong khi kịch bản thứ hai mô phỏng tác động của việc gia tăng thâm nhập GMO với trọng tâm cụ thể vào tác động đến giá cả, phúc lợi, và phát thải khí nhà kính liên quan đến công nghệ GM.



Kết quả cho thấy giá lương thực có thể tăng 0,27-2,2 phần trăm, tùy thuộc vào khu vực. Tổng tổn thất phúc lợi liên quan đến việc cấm công nghệ GM vào khoảng 9,75 tỷ USD. Bên cạnh những tác động kinh tế do không có các tính trạng công nghệ sinh học quan trọng, những tác động của môi trường cũng có thể xảy ra. Phân tích tác động môi trường hoàn chỉnh không được tiến hành trong nghiên cứu này, nhưng sự thay đổi trong sử dụng đất có thể xảy ra do mất các đặc điểm biến đổi gen và phát thải khí nhà kính đã được phân tích. Một sự gia tăng đáng kể lượng khí thải nhà kính được dự đoán sẽ xảy ra nếu công nghệ biến đổi gen bị cấm.

Tham khảo bài viết trên [AgEcon](#).

NHÓM CÁC NHÀ KHOA HỌC QUỐC TẾ GIẢI TRÌNH TỰ BỘ GEN LÚA MẠCH 6000 NĂM TUỔI

Một nhóm các nhà nghiên cứu từ Đức, Israel, Anh, và Hoa Kỳ đã lần đầu tiên giải mã trình tự thành công bộ gen của hạt lúa mạch Chalcolithic. Cho đến nay, các hạt giống 6000 năm tuổi là bộ gen thực vật cổ nhất được khôi phục lại, được thu thập từ hang Yoram ở vách núi phía nam của pháo đài Masada ở sa mạc Judean, gần Biển Chết. Lúa mạch thời tiền sử này rất giống với lúa mạch ngày nay.

Các phân tích cho thấy, hạt giống gieo trồng 6.000 năm trước đây về mặt di truyền rất khác biệt với các cây hoang dại được tìm thấy trong khu vực hiện nay, mặc dù có sự trùng lặp di truyền đáng kể với những dòng thuần hiện nay. Điều này cho thấy giống lúa mạch địa phương vùng Lưỡng Hà cũng đã được cải tiến rất sớm, và những kẻ xâm lược và người nhập cư vào khu vực này đã không mang tới hạt giống cây trồng ở vùng khác mà vẫn tiếp tục trồng những giống địa phương.

Việc so sánh các hạt giống cổ với các cây dạng hoang dại trong khu vực và với các giống bản địa về mặt địa lý cho thấy nguồn gốc của sự thuần hóa lúa mạch tại vùng cao thung lũng Jordan, giả thuyết còn được củng cố bằng hai địa điểm khảo cổ trong khu vực xung quanh, nơi trồng lúa mạch sớm nhất đã được tìm thấy.

Để có thêm thông tin, đọc tin tức đăng tải trên [Bar-Ilan University website](#).

LIÊN MINH CHÂU ÂU PHÊ DUYỆT NHẬP KHẨU BA GIỐNG ĐẬU TƯƠNG CÔNG NGHỆ SINH HỌC

Ủy ban châu Âu đã cho phép nhập khẩu ba giống đậu tương CNSH. Các giống đậu tương biến đổi gen, MON 87708 x MON 89788 , MON 87705 x MON 89788 , và FG 72, đã nhận được ý kiến khoa học thuận lợi từ Cơ quan An toàn Thực phẩm Châu Âu (EFSA) vào năm ngoái. Các giống cũng nhận được phiếu "không có ý kiến" từ 28 quốc gia thành viên của Liên minh châu Âu. Giấy phép lưu hành có giá trị trong 10 năm. Theo tuyên bố của Ủy ban, bất kỳ sản phẩm nào sản xuất từ giống đậu tương CNSH đã được phê duyệt sẽ được dán nhãn và truy xuất nguồn gốc nghiêm ngặt.

Đọc tin tức đăng tải trên [European Commission](#).